

10.11 RT-qPCR: Die Frage der Normalisierung

TopLab

- Zielgruppe:** LabormitarbeiterInnen, wissenschaftliche MitarbeiterInnen, DoktorandInnen, NachwuchsgruppenleiterInnen und Post-Docs aus Universität und Klinikum
- Teilnahmevoraussetzungen:** Grundlagen der RT-qPCR-Anwendung
- Seminarziel:** Sie lernen die Excel-basierte Software geNorm zur Auswahl und Analyse geeigneter Referenzgene zur relativen Genexpression kennen und üben die Bestimmung der Primer-Effizienz.
- Seminarinhalt:**
- Vortrag:
- Bedeutung und Durchführung der Effizienzbestimmung bei einer PCR-Reaktion
 - Probleme bei der Normalisierung von Expressionsdaten
 - Auswahl, Identifizierung und Analyse von House-Keeping Genen mittels geNorm
- Praktischer Teil:
- Auswertung am Beispiel eines RT-qPCR-Experiments über mehrere House-Keeping Gene
 - Übungen am eigenen Notebook mit geNorm
- Bemerkungen:** Bitte bringen Sie für die Übungen Ihr Notebook mit, auf dem Excel installiert ist und installieren Sie sich, wenn möglich, im Vorfeld auch schon geNorm.
(Download unter: <http://medgen.ugent.be/~jvdesomp/genorm/>)
- Referent:** Andrea Hecker, Institut für Transfusionsmedizin und Immunologie

Termin	Uhrzeit	Ort	Raum	Teilnehmerzahl
26.10.2010	9.00-13.00 Uhr	Mannheim, Tridomus, Ludolf-Krehl-Str. 13-17, Haus C, Ebene 5	SR Eb. 5	5 - 15